



**13. Angaben zu den gentechnisch veränderten Organismen (GVO) der Arbeit Nr.: 9**

**in der Anlage Nr.: 92/14**

Abkürzungen bitte erläutern, ggf. Abkürzungsverzeichnis verwenden (Anlage)

Lfd. Nr.	Spender		Empfänger		Vektor <sup>C</sup>	übertragene Nukleinsäure		GVO			
	Bezeichnung	RG <sup>D</sup>	Bezeichnung	RG	Bezeichnung	Bezeichnung	Gefährdungspotential vorhanden? <sup>E</sup>	Bezeichnung	RG	erzeugt oder erhalten am	entsorgt am
1	<i>Homo sapiens</i> (Prpf38a, FKBP), <i>Discosoma</i> (RFP)	1 1	Hek293T cells	1	pEYFP-p65-mDsRed	RFP-FKBP-PRPF38A	nein <input checked="" type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> weil: definiertes Gen	Hek293T- RFP-FKBP-PRPF38A	1	01.08.2016	
2	<i>Homo sapiens</i> (U2AF35, FKBP), <i>Discosoma</i> (RFP)	1 1	Hek293T cells	1	pEYFP-p65-mDsRed	RFP-FKBP-U2AF35	nein <input checked="" type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> weil: definiertes Gen	Hek293T- RFP-FKBP-U2AF35	11	01.08.2016	
3	<i>Homo sapiens</i> (HP1), <i>Aequorea victoria</i> (ECFP) engineered (Snap)	1 1	Hek293T cells	1	pSNAPf vector	HP1-ECFP-Snap	nein <input checked="" type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> weil: definiertes Gen	Hek293T- HP1-ECFP-Snap	1	01.08.2016	
4	<i>Homo sapiens</i> (LaminA) <i>Aequorea victoria</i> (ECFP) engineered (Snap)	1 1	Hek293T cells	1	pcDNA3.1-ccdB-3xFLAG-V5	LaminA-ECFP-Snap	nein <input checked="" type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> weil: definiertes Gen	Hek293T- LaminA-ECFP-Snap	1	01.02.2019	
5	<i>Homo sapiens</i> (prpf38a, FKBP) <i>S. pyogenes</i> , (Cas9)	1 2	Hek293T cells	1		FKBP-Prpf38A	nein <input checked="" type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> weil: definiertes Gen	Hek293T-FKBP-Prpf38A (Crispr)	1	01.07.2018	

**14. Inaktivierung des Abfalls durch:**  Autoklavieren  anderes Verfahren: \_\_\_\_\_

**15. Kenntnisnahme:** Funktion<sup>F</sup>: \_\_\_\_\_ Unterschrift: \_\_\_\_\_ Datum: \_\_\_\_\_

<sup>C</sup> ggf. Vektorkarten beifügen

<sup>D</sup> RG = Risikogruppe

<sup>E</sup> anzugeben ist ein Stichwort zur Begründung, z.B.: Toxingen, Onkogen, uncharakterisiertes DNA-Fragment, definiertes Gen, cDNA, genomische DNA, Virusgenom, replikationsdefekte infektiöse Viren, o.ä.

<sup>F</sup> Betreiber, Projektleiter oder eine von diesen beauftragte Person



**Beschreibung der weiteren Arbeiten der Sicherheitsstufe 1 einschließlich Zielsetzung und Risikobewertung:**

**a) Allgemeine Beschreibung des Vorgehens**

Untersuchung der Relevanz der Lokalisation spleißosomaler Proteine. Dazu wird die Lokalisation der spleißosomalen Proteine mittels Konfokalmikroskopie überprüft. Die Auswirkung der Lokalisationsveränderung wird durch Spleiß-Experimente ermittelt.

**b) Konkretes Vorhaben**

Die Lokalisation spleißosomaler Proteine wird entweder durch Fluoreszenzmarker oder durch Antikörperfärbungen visualisiert und mittels Konfokalmikroskopie betrachtet. Ebenso wird die Auswirkung der Lokalisationsveränderung mittels Mikroskopie betrachtet und zudem mittels Spleiß-Experimenten überprüft. Hierzu werden Hek293T-Zellen mit den Vektoren der spleißosomalen Gene (Prpf38a, U2AF35) transient transfiziert. Zudem wird FKBP-Prp38 nach der Integration ins Genom mittels Crispr Cas9 endogen exprimiert. Das Lamin A-Konstrukt des Vektors pcDNA3.1-ccdB-3xFLAG-V5 wird stabil nach Integration ins Genom exprimiert.

**c) Zusammenfassung der Risikobewertung nach § 6 Abs. 1 GenTG**